

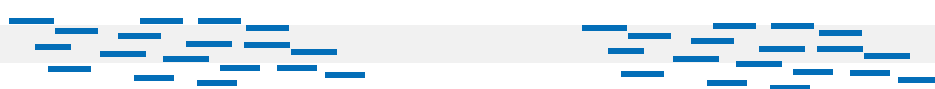


## ■ De novo Genome-Seq

## ■ Scaffolding

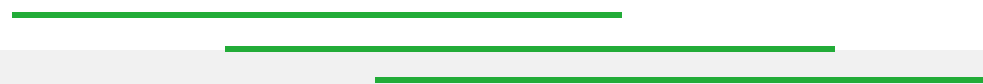
複雑な倍数体植物ゲノムのアセンブル、  
環境サンプルのメタゲノム研究にも

Short Reads



+

Long Reads



## ■ Phasing

Short Reads ?

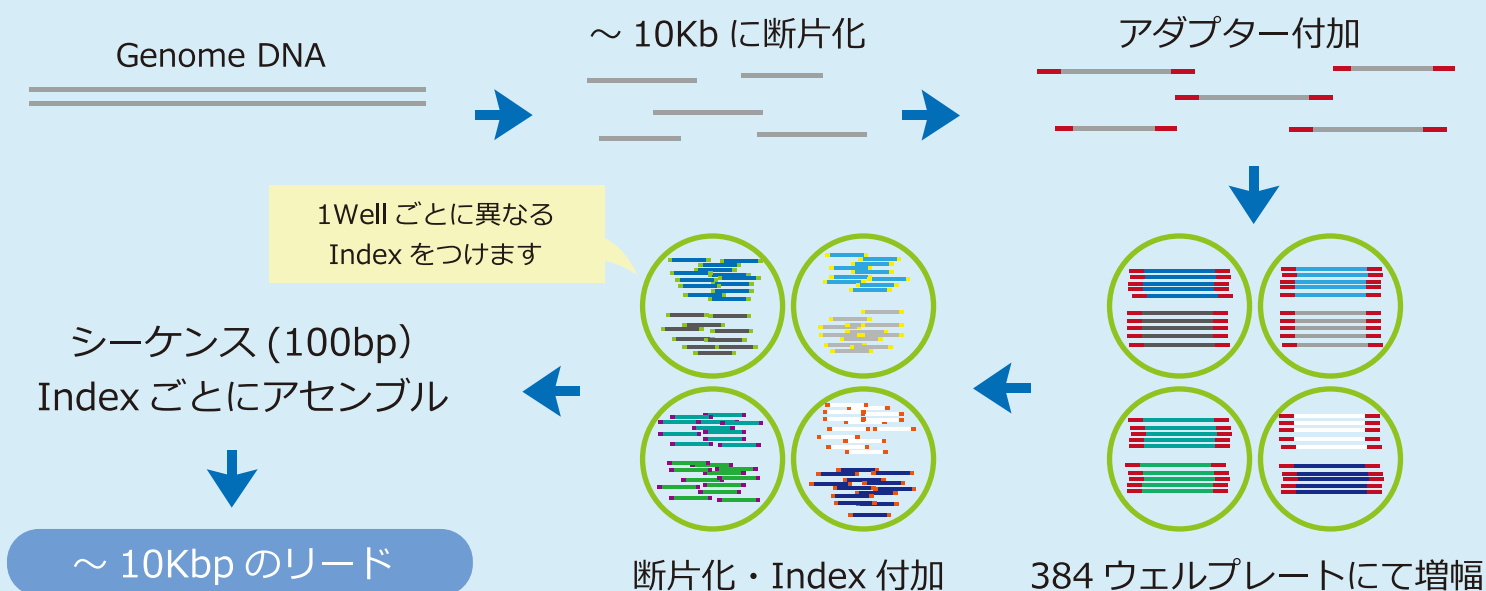


Long Reads !



共遺伝アリルやハプロタイプ情報の同定が可能に

## TruSeq Synthetic Long-Read ワークフロー



代理店



北海道システム・サイエンス株式会社

〒001-0932 札幌市北区新川西2条1丁目2-1

☎ 0120-613-190

TEL:011-768-5903 FAX:011-768-5951

Email:hss-ngs@hssnet.co.jp

URL:http://www.hssnet.co.jp

※ 本サービスの仕様は、予告なく変更する場合がございます。