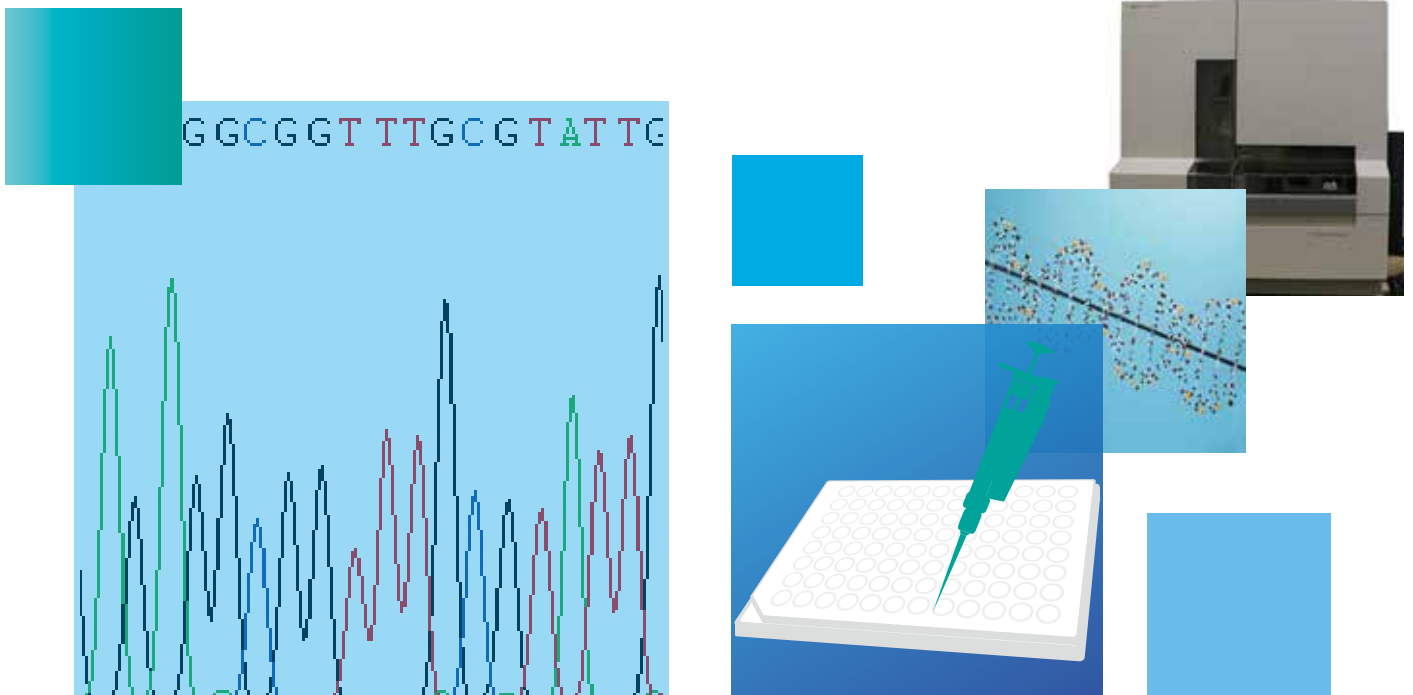


 Hokkaido System Science Co., Ltd.

受託 DNA シーケンス解析サービス



DNA シーケンス受託解析サービス

品質の高いオリゴ合成技術を生かした迅速なシーケンスにより、低価格で早くお手元にシーケンスデータをお届けいたします。

研究室専属のシーケンシング部門としてご活用ください。

本受託 DNA シーケンス（キャピラリーシーケンス）サービスの解析作業につきましては、国内有数の大規模遺伝子情報解読

設備を有しており、植物・ヒトゲノム解析の世界的研究を実施し、

遺伝子解析に関する高い技術と豊富な経験を持っている「公益財団法人 かずさ DNA 研究所」へ委託して実施いたします。なお、受注連絡、シーケンスデータの確認、納品につきましては、今までどおり弊社にて対応させていただきます。



Single Extension

Single Extension サービスでは、DNA サンプルとプライマーをご提供いただき、DNA サンプルの塩基配列を決定します。迅速かつ正確な作業により、2 営業日以内に解析結果をご報告いたします。解析難解配列はできる限り条件の最適化をいたします。事前にご相談ください。

▼製品仕様

送付いただいたDNAサンプルのシーケンス解析を行います。
サイクルシーケンス反応を1回行い、得られたデータを送付いたします。
平均解析長は約500~700塩基ですが、サンプルの状態により異なります。

ご希望により以下のサービス形態よりご選択いただけます。

- ・プレミックスサービス：テンプレートとプライマーをミックスしてお送りいただく読みきりサービス
- ・ワンパスサービス：テンプレートとプライマーを別々にお送りいただく読みきりサービス
- ・フルサービス：サンプルQC、再解析を含むフルサービス

解析に必要なもの：DNA サンプル、プライマー、電気泳動写真、注文書

DNA サンプル (1 反応あたり)	【プラスミド】濃度 100-300 ng/ μ L 以上、10 μ L 以上 ^{※1} 【PCR 産物】濃度 10 ng/ μ L 以上、10 μ L 以上 ^{※1,2}
プライマー (カスタムプライマー)	サンプルの種類に関わらず、濃度 10 μ M、10 μ L 以上 (無償のユニバーサルプライマーを使用する場合は、P8 をご参照ください。)
電気泳動写真	同じゲル上にマーカーおよびサンプルを泳動し、泳動量を記したもの。
注文書	弊社 HP (http://www.hssnet.co.jp/3/3_f2.html) よりダウンロードしてください。

※1 DNA サンプルのサイズによっては、上記の濃度より高濃度をご用意いただく場合がございます。

※2 PCR 産物は、PCR 反応後、必ず精製を行ってください。

弊社でのサンプル精製をご希望の場合は、弊社 HP にてご確認ください。http://www.hssnet.co.jp/2/2_3_1_3.html#3

※3 サンプル調製方法等につきましては、P7 をご参照ください。

※4 ご依頼に際しましては、P10 の注意事項をご確認いただけますようお願いいたします。

納期：サンプル受領後「2 営業日」

※ 再解析が発生した場合には、納期が追加となります。

※ サンプル数・解析状況等により、納期を多くいただく場合がございます。

※ ご依頼数が多い場合、納期に関して、事前にご相談させていただく場合がございます。

納品：解析結果は、E-mail にて納品いたします。

塩基配列データ (Text file) / 波形データ (PDF file)

※ Raw Data (ab1 file) をご希望される場合は、ご相談ください。

※ データ数が多い場合、納品方法に関して、事前にご相談させていただく場合がございます。

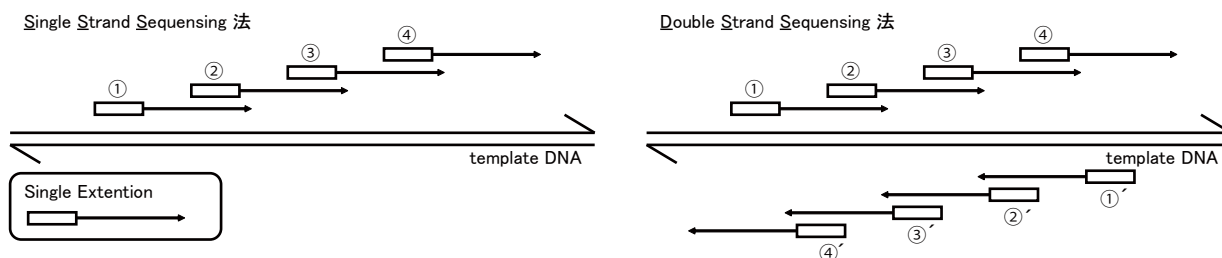
Primer Walking

Primer Walking サービスでは、DNA サンプルをご提供いただき、プライマーウォーキング法による長鎖塩基配列を決定いたします。

解読した塩基配列から、随時、弊社にて迅速にプライマー設計・合成、シーケンス解析を行い、質の高いデータの提供を行っております。

▼製品仕様

送付いただいたDNAサンプルを用いて、複数回のシーケンス解析を実施いたします。解読した塩基配列からプライマー設計・合成、シーケンス反応という作業を繰り返し、長鎖のシーケンス解析を実施いたします。片鎖解析 (SSS法)、両鎖解析(DSS法)のいずれかを、目的に応じてご選択いただけます。



※ 1 回のシーケンス反応で解読できる平均鎖長は約 500 塩基です。

ご希望の解析塩基鎖長に応じて、必要数の解析を繰り返し実施いたします。

例) 約 3.0 kb の Primer Walking (SSS) をご希望の場合、通常、約 6 回 (3,000 bp ÷ 500 bp / 回 = 6 回) のシーケンス反応を実施いたします。

解析に必要なもの：DNA サンプル、プライマー、電気泳動写真、注文書

DNA サンプル	【プラスミド】濃度 100-300 ng/μL 以上、必要量*1 【PCR 産物】濃度 10 ng/μL 以上、必要量*1,2
プライマー (カスタムプライマー)	サンプルの種類に関わらず、濃度 10 μM、10 μL 以上 プライマーは初回解析に使用いたします。 (無償のユニバーサルプライマーを使用する場合は、P8 をご参照ください。)
電気泳動写真	同じゲル上にマーカーおよびサンプルを泳動し、泳動量を記したものを。
注文書	弊社 HP (http://www.hssnet.co.jp/3/3_f2.html) よりダウンロードしてください。

※1 DNA サンプルの送付量は、ご希望の解析塩基数により異なります。サンプルは 1 回の反応で 1-5 μL 使用いたします。1 回の反応で約 500 塩基解読できるものと仮定し、できる限り多目にご提供ください。

※2 PCR 産物は、PCR 反応後、必ず精製を行ってください。

弊社でのサンプル精製をご希望の場合は、弊社 HP にてご確認ください。 http://www.hssnet.co.jp/2/2_3_1_3.html#3

※3 サンプル調製方法等につきましては、P7 をご参照ください。

※4 ご依頼に際しましては、P10 の注意事項をご確認いただけますようお願いいたします。

納期：解析希望塩基鎖長により変動いたします。

解析希望塩基鎖長をご指定のうえ、別途お問い合わせください。

納品：解析結果は、E-mail および CD-R にて納品いたします。

合成プライマー / CD-R

[CD-R 収録内容]

塩基配列データ (Text file)、波形データ (PDF file)、アセンブルデータ、プライマー情報

※ ご希望に応じて、解析の進行に合わせて 1 シーケンス反応で得られた結果を E-mail にて随時ご報告しております。

8 連チューブ・プレートシーケンス

8連チューブおよび96wellプレート単位で調製いただいたサンプルをご提供いただき、塩基配列を決定いたします。割安なサービスですので、EST解析、Point配列解析などの多解析に最適です。

▼製品仕様

DNAサンプルを8連チューブ・96 well プレートにて送付いただき、シーケンス解析を行います。サイクルシーケンス反応を1回行い、得られたデータを送付いたします。平均解析長は約500～700塩基ですが、サンプルの状態により異なります。

ご希望により以下のサービス形態よりご選択いただけます。

- ・プレミックスサービス：テンプレートとプライマーをミックスしてお送りいただく読みきりサービス
- ・ワンパスサービス：テンプレートとプライマーを別々にお送りいただく読みきりサービス

解析に必要なもの：DNA サンプル、プライマー、電気泳動写真、注文書

DNA サンプル※ ¹ (1well / 反応あたり)	【プラスミド】濃度 100ng/μL、10μL 以上 【PCR 産物】濃度 50 ng/μL、10μL 以上※ ²
プライマー※ ³ (カスタムプライマー)	1反応あたり 濃度 3.2μM、5μL 以上 (無償のユニバーサルプライマーを使用する場合は、P8をご参照ください。)
電気泳動写真※ ⁴	同じゲル上にマーカーおよびサンプルを泳動し、泳動量を記したものを。
注文書	弊社 HP (http://www.hssnet.co.jp/3/3_f2.html) よりダウンロードしてください。

※¹ サンプルは必ず、濃度調整し 96well プレートに整列してご提供ください。

96well 一律のサンプル使用量となりますので、濃度がバラつきますと良好な結果が得られない場合がございます。

※² PCR 産物は、PCR 反応後、必ず精製を行ってください。

※³ シーケンスプライマーの種類は、4 種以内 / 1 プレートといたします。

4 種を超える場合は、必ずサンプルプレートと対応するプライマープレートをご用意ください。

※⁴ ご提供いただくサンプルは、事前に必ずアガロースゲル電気泳動によりサンプルの品質確認をお願いいたします。

※⁵ ご依頼に際しましては、P10 の注意事項をご確認いただけますようお願いいたします。

納期：8 連チューブ（8 解析単位）サンプル受領後3営業日

※ その他のサービス内容につきましては、弊社 HP にてご確認ください。 http://www.hssnet.co.jp/2/2_3_9_1.html#2

納品：解析結果は、E-mail にて納品いたします。

塩基配列データ (Text file) / 波形データ (ab1 file)

微生物同定

微生物同定サービスでは、Applied Biosystems の「MicroSeq® Kit」を用いて、バクテリアサンプルの 16S rRNA 遺伝子上流部 (約 500bp) の塩基配列に基づき、バクテリアの簡易同定を行います。

※ 16S rDNA 全長解析 および 真菌類 (カビ、酵母) につきましては、別途お問い合わせください。

▼製品仕様

ご提供いただくバクテリアサンプルより DNA を抽出後、16S rDNA Top500 領域を PCR により増幅いたします。

得られた PCR 産物はダイレクトシーケンスにより塩基配列を決定後、データベース上で BLAST 検索を実施することにより、既知の微生物の 16S rDNA 配列との相同性検索を行い、近縁種と推定される微生物リストを作製いたします。

解析に必要なもの：サンプル、電気泳動写真、注文書

サンプル	培養検体……スラント、シャーレ、その他 ^{※1} 抽出済み DNA……PCR 可能な精製レベルのもの ^{※2}
電気泳動写真	同じゲル上にマーカーおよびサンプルを泳動し、泳動量を記したものを。
注文書	弊社 HP (http://www.hssnet.co.jp/3/3_f2.html) よりダウンロードしてください。

- ※1 弊社では試料の単離作業は行っておりません。必ず純粋培養された菌株を送付ください。
 ※2 病原性を有する、もしくは病原性を有する可能性のある微生物の受け入れは行っておりません。
 この場合、抽出済み DNA の状態でご依頼ください。
 ※3 ご送付いただいたサンプルは、解析終了後、滅菌破棄させていただきます。
 サンプルのご返却をご希望の場合は、必ず事前にご連絡ください。

納期：サンプル到着後 約 2 週間

- ※ 検体数・解析状況等により、納期を多くいただく場合がございます。
 多検体をご依頼いただく場合は、別途お問い合わせください。

納品：解析結果は、E-mail にて納品いたします。
 作業報告書（同定結果）（PDF file）
 シーケンスデータ 塩基配列データ（Text file）、
 波形データ（PDF file）、
 コンティグデータ（Text file）

SNP 解析

SNP解析サービスではPCR産物のダイレクトシーケンスにより塩基配列を決定し、あらかじめご提供いただいたリファレンス配列との配列比較を行いSNP部位を決定いたします。
 その後、得られた波形チャートと合わせて、結果をご報告いたします。

▼製品仕様

- 基本内容 ・シーケンス反応（Forward、Reverse Primer を使用した Double Strand 解析）
 ↓
 ・データ解析（リファレンス配列との比較による SNP 部位の決定）

ご提供いただくもの

- ・精製済み PCR 産物
 10ng/μL 以上に調製いただき、1 解析当り 20μL 以上をご用意ください。
- ・シーケンスプライマー（Forward、Reverse）
- ・電気泳動写真
- ・シーケンスの対象となる遺伝子情報（リファレンス配列、既知の変異情報等^{※1}）

- ※1 リファレンス配列、既知変異情報の送付方法は弊社 HP にてご確認ください。
http://www.hssnet.co.jp/2/2_3_5_1.html#4
 ※2 解析に必要な前処理（PCR 産物の精製、遺伝子増幅、プライマー設計・合成等）をご希望される場合は、各種オプション（別途料金）にてお引き受けしております。
 詳細につきましては、ご相談ください。

納期：2 週間～

- ※1 検体から承ります。
 ※ 納期は、検体数・作業内容によって変動いたします。
 ※ プライマーの設計・合成、目的領域の増幅等、ご要望に応じて各工程からお引き受けが可能です。

納品：解析結果は E-mail および CD-R にて納品いたします。
 波形データ（ab1 file） / 塩基配列データ（Text file）
 作業報告書 / SNP 部位のレポート

オプションサービス

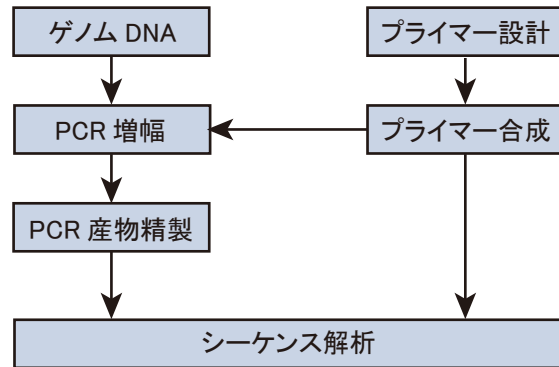
受託DNAシーケンスサービスでは、シーケンスサンプル調製の前処理として、各種オプションサービスをご用意しております。
精製済みゲノムDNAをご提供いただくだけで、シーケンスまでの一連の解析をサポートいたします。

▼オプションサービス内容

- ① プライマー設計・合成
- ② PCR増幅
- ③ サンプル精製サービス
・PCR産物精製

納期・納品：作業内容により異なります。
お気軽にご相談ください。

シーケンスオプション体系



① プライマー設計

ご提供いただいた配列情報をもとに、シーケンス解析に最適なプライマーの設計を行います。

▼PCR 増幅用プライマー設計

ダイレクトシーケンシングを目的とした PCR 増幅用プライマーを設計いたします。
事前に解析したい領域、生物種情報、対象遺伝子のアクセッション No. 等をお知らせください。

▼シーケンス用プライマー設計

シーケンス解析結果、または近隣の配列情報をもとに、シーケンス用プライマーを設計いたします。
一部の既知配列をもとにウォーキングを行いたい場合などに便利です。

納期：PCR 増幅用プライマー設計……約 1 週間

シーケンス用プライマー設計……2 営業日

※ ご依頼本数が多本数の場合は、別途納期をいただく場合がございます。10 本を超える場合は、ご相談ください。

※ 合成料金は別途掛かりますのでご了承ください。

※ 万が一、PCR 増幅、あるいはシーケンス解析において、良好な結果が得られない場合は、1 回のみ再設計を行います。

② PCR 増幅

シーケンス解析の前処理として、目的領域の PCR 増幅を行います。

▼製品仕様

解析に必要なもの：精製済みのゲノム DNA、プライマーセット※、増幅確認済み PCR 条件

※ プライマーの設計・合成が必要な場合は、弊社にてお引き受けすることも可能です。

使用試薬：増幅に用いる Taq polymerase は、弊社販売の LaboPass™ Products Taq polymerase 試薬キットを使用いたします。

納期：プライマーの有無、検体数等により変わります。ご依頼時にご相談ください。

③ シーケンスサンプル精製

弊社販売の LaboPass™ Products DNA Purification 試薬キットを利用し、サンプルの精製を行います。

▼PCR 産物精製

カラム精製：残存プライマーや dNTP の除去を目的とした簡易精製です。

ゲル切り出し精製：目的産物のバンドをゲルから切り出して精製いたします。

納期：3 営業日

※ 精製後の収量はご提供いただくサンプルに依存します。同一サンプルで複数回の解析を予定される場合は、サンプル残量により再度精製料金を追加させていただく場合がございます。

※ サンプル数、解析の状況により別途納期をいただく場合がございます。

サンプル調製プロトコル

送付いただくサンプルに関しましては、事前にアガロースゲル電気泳動によるサンプルの状態、濃度等の確認を行ってください。サンプルの濃度が希薄である場合や、分解が見られる場合等は、解析をお引き受けすることが困難となりますので、ご理解、ご協力をいただけますと幸いです。以下に推奨とさせていただきますプロトコルを掲載いたしますので、ご参照ください。

▼サンプル調製方法・送付量

解析の成功率を上げるため、サンプルは市販の精製キットによる抽出・精製を行ってください。特にPCR産物は、PCR反応後、未反応のプライマーやdNTP等の残存がございますと、良好な解析結果が得られません。

弊社推奨精製キット：Labo Pass™ Products シリーズ

なお、TE等のEDTA含有Bufferでサンプルを溶解させた場合、EDTAがサイクルシーケンス反応を阻害する恐れがございます。サンプルおよびプライマーの調製には、滅菌水を使用されることをお勧めしております。

【プレミックスサービスの場合】

(1) 以下の濃度でサンプル、プライマーの濃度調整をお願いいたします。

プラスミドサンプルの場合		PCR産物の場合	
2 ~ 4 kbp	0.2 $\mu\text{g}/\mu\text{L}$ = 200ng/ μL	100 ~ 500 bp	10 ng/ μL
6 kbp	0.3 $\mu\text{g}/\mu\text{L}$ = 300ng/ μL	500 ~ 1,000 bp	10~20 ng/ μL
8 kbp	0.4 $\mu\text{g}/\mu\text{L}$ = 400ng/ μL	1,000 ~ 2,000 bp	20~40 ng/ μL
10 kbp	0.5 $\mu\text{g}/\mu\text{L}$ = 500ng/ μL	2,000 bp 以上	40~100 ng/ μL

プライマー：3.2 μM ~ 5 μM に調製

(2) 上記表の濃度に調整したサンプルおよびプライマーを、1 : 1 の混合率で、1 解析 (1 チューブもしくは 1well) につき、この混合液を作製してください。

(例) : プラスミド DNA 2 ~ 4kbp : 0.2 $\mu\text{g}/\mu\text{L}$ = 200ng/ μL のサンプル 5 μL + プライマー 3.2 μM のものを 5 μL → total 10 μL

※ 上記規定の濃度より薄くなってしまう場合がございますら別途お問い合わせください。

(3) 調製した混合液を 1 解析あたり 10 μL 以上お送りください。

【ワンパスサービス、フルサービスの場合】

(1) 以下の濃度でサンプル、プライマーの濃度調整をお願いいたします。

サンプル：上記表をご参照ください。

プライマー：10 μM に調製

(2) 上記表の濃度に調整したサンプルおよびプライマーを1解析あたり各 10 μL 以上お送りください。

※ サンプルを送付いただく際に送付時の蒸発等により体積がロスしてしまう恐れがございます。

濃度が濃い場合でも、送付量は 10 μL 以上としていただけますようお願いいたします。

※ 同じサンプルで複数解析をご希望の場合、解析数分のサンプルを1本のチューブにまとめてお送りください。

※ サンプル濃度が上記表に記載された濃度に満たない場合は、事前にご相談の上、多目にお送りください。

▼サンプル濃度測定法

シーケンスサンプルの濃度測定法は、アガロースゲル電気泳動をお勧めしております。
分光光度計での濃度測定は DNA 以外の残存物等が含まれている場合、正確な測定が困難となります。（10 倍以上濃度が異なる場合もございます。）

このため、シーケンスサンプルの濃度は、アガロースゲル電気泳動を行い、濃度既知の分子量マーカー等と明るさを比較することにより測定してください。

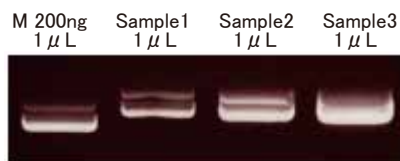
濃度既知の分子量マーカーがお手元に無い場合は、目安としてサンプルを 1 μ L アプライしていただき、はっきりとバンドが確認できる状態としてください。

なお、ご提供いただく電気泳動写真に関しましては、サンプルのアプライ量、マーカー情報（アプライ量や濃度等）を明記していただき、バンドがはっきり見えているもの以外はコピーではなく現物をご提供ください。

▼アガロースゲル電気泳動例

【プラスミドサンプルの場合】

1.0% アガロース、TAE バッファー、マーカー（200ng/ μ L 調製済みプラスミドマーカー）使用。
マーカー、サンプルは各 1.0 μ L をアプライ。



M = plasmid marker

左記の写真をもとに、各サンプル濃度を見積ると、以下のとおりとなります。

Sample 1 : 約 150ng/lane (150ng/1 μ L)

Sample 2 : 約 400ng/lane (400ng/1 μ L)

Sample 3 : 約 400ng 以上 /lane ですが、飽和しているためサンプル希釈後に、再度電気泳動を行うことをお勧めいたします。

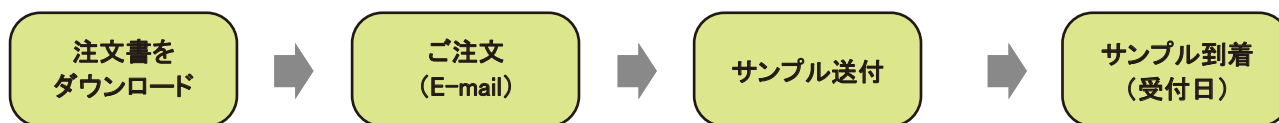
※ 電気泳動写真につきまして、詳しくは弊社HPをご確認ください。 http://www.hssnet.co.jp/2/2_3_2_1.html#agarose_gel

ユニバーサルプライマーリスト

弊社では、受託シーケンス解析サービスにて無料でご利用いただけるユニバーサルプライマーをご用意しております。必要に応じて、下記リストの中からご選択ください。

T7 promoter	TAA TAC GAC TCA CTA TAG G	SK	CGC TCT AGA ACT AGT GGA TC
T7 terminator	GCT AGT TAT TGC TCA GCG G	KS	TCG AGG TCG ACG GTA TC
T3	AAT TAA CCC TCA CTA AAG GG	SP6	TAT TTA GGT GAC ACT ATA G
M13FW	GTA AAA CGA CGG CCA GT	U-19mer	GGT TTT CCC AGT CAC GAC G
M13RV	GGA AAC AGC TAT GAC CAT G	RV3	CTA GCA AAA TAG GCT GTC CC
M13 P1	GTA AAA CGA CGG CCA GT	RV4	GAC GAT AGT CAT GCC CCG CG
M13 P2	AGT CAC GAC GTT GTA	GL1	TGT ATC TTA TGG TAC TGT AAC TG
M13 P3	CCA GTC ACG ACG TTG TA	GL2	CTT TAT GTT TTT GGC GTC TTC CA
M13 P4	GTT TTC CCA GTC ACG AC	pGEX5' Amersham	GGG CTG GCA AGC CAC GTT TGG TG
M13 P5	CAG GAA ACA GCT ATG AC	pGEX3' Amersham	CCG GGA GCT GCA TGT GTC AGA GG
M13 P6	CAC AAT TCC ACA CAA C	BGH-Reverse	TAG AAG GCA CAG TCG AGG
M13 P7	CGC CAG GGT TTT CCC AGT CAC GAC		
M13 P8	AGC GGA TAA CAA TTT CAC ACA GGA AAC		
M13 M4	GTT TTC CCA GTC ACG AC		

ご注文方法



- Single Extension
- Primer Walking
- 8 連チューブ・プレートシーケンス

- 【1】弊社 HP (http://www.hssnet.co.jp/3/3_f2.html) より注文書をダウンロードしてください。
- 【2】必要項目にご記入のうえ、添付ファイルとして E-mail を seq@hssnet.co.jp まで送信ください。
- 【3】メールにて送信後、サンプル、ご注文書原本等を合わせて、下記宛にお送りください。ご送付の際は、「シーケンスサンプル在中」と明記いただけますよう、お願いいたします。

サンプル送付先	〒292-0818 千葉県木更津市かずさ鎌足 2-6-7 公益財団法人かずさ DNA 研究所 HSS サンプル 宛 TEL : 0438-52-3944
---------	--

- 【4】サンプル受領後、受取確認および予定納期を E-mail でご連絡いたします。

<注意事項>

- ※1 2015 年 7 月からサンプル送付先が変更になりましたのでご注意ください。
- ※2 土・日・祝日はサンプルの受取りを行っておりません。
- ※3 サンプル送料は、実費お客さまのご負担となります。
但し、一度に 8 解析以上ご依頼いただく場合は、ヤマト運輸(株)ご利用では着払いでのお引き受けが可能です。
日本通運(株)ご利用に関しましては、弊社専用伝票(送料弊社負担)をお渡しが可能ですので、
お手数をおかけしますが別途ご連絡をくださいますようお願いいたします。

- 微生物同定
- SNP 解析

- 【1】弊社 HP (http://www.hssnet.co.jp/3/3_f2.html) より注文書をダウンロードしてください。
- 【2】必要項目にご記入のうえ、添付ファイルとして E-mail を seq@hssnet.co.jp まで送信ください。
- 【3】メールにて送信後、サンプル、ご注文書原本等を合わせて、下記宛にお送りください。ご送付の際は、微生物同定は「シーケンスサンプル在中」、SNP 解析は「SNP 解析サンプル在中」と明記いただけますよう、お願いいたします。

サンプル送付先	〒001-0932 札幌市北区新川西2条1丁目2-1 北海道システム・サイエンス株式会社 ライフサイエンス本部 解析部 シーケンスチーム 宛 TEL : 011-768-5901
---------	--

- 【4】サンプル受領後、受取確認および予定納期を E-mail でご連絡いたします。

<注意事項>

- ※1 土・日・祝日はサンプルの受け取りを行っておりません。
- ※2 サンプル送料は、実費お客さまのご負担となります。
但し、一度に 8 解析以上ご依頼いただく場合は、ヤマト運輸(株)ご利用では着払いでのお引き受けが可能です。
日本通運(株)ご利用に関しましては、弊社専用伝票(送料弊社負担)をお渡しが可能ですので、
お手数をおかけしますが別途ご連絡をくださいますようお願いいたします。

注意事項（シーケンスサービス共通）

サンプル送付に関して

- * ご注文書は、必要事項をご記入の上 E-mail にて seq@hssnet.co.jp まで送付ください。
FAX によるご注文は文字が不明瞭となりますので、ご遠慮ください。
- * チューブには、サンプル名をご記入ください。
- * 郵送、宅配便どちらでも構いませんが、クール便のご利用をお勧めいたします。
- * 不慮の事故（チューブの亀裂や破損、フタの緩みなど）による液量の損失、コンタミネーションを防ぐため、サンプル送付の際は、必ず破損を防ぐ処置を講じてください。
- * 0.2mL や 0.5mL チューブでは、輸送の際にチューブの破損が多く見られます。サンプルは 1.5mL チューブでの送付をお願いいたします。
- * プレートでサンプルを送付する場合は、凍結した状態でドライアイスを入れてお送りください。（ドライアイスの量は 3 ~ 5 kg 程度）
- * プレートでサンプルを送付する場合は、液量の損失、コンタミネーションを防ぐアルミシールまたは 8 連キャップにてしっかり蓋をしてください。
- * サンプル到着後、受け取り確認と予定納期を E-mail にてご連絡します。サンプル送付後、返答がない場合はお手数ですがご一報ください。
- * 弊社の誤りに起因する紛失・破損に関するクレーム以外の輸送時等に生じた損失・損害等については、責任を負いかねますのであらかじめご了承ください。
- * シーケンス解析で使用したサンプル・プライマーは原則として、シーケンス解析終了後 3 日間保管の後に破棄させていただきますのであらかじめご了承ください。
- * 土・日・祝日はサンプルの受け取りを行っておりません。
- * サンプル送料は、実費お客さまのご負担となります。
但し、一度に 8 解析以上ご依頼いただく場合は、ヤマト運輸（株）ご利用では着払いでのお引き受けが可能です。
日本通運（株）ご利用に関しましては、弊社専用伝票（送料弊社負担）をお渡しが可能ですので、
お手数をおかけしますが別途ご連絡をくださいますようお願いいたします。

その他

- * 製品の規格仕様・サービス内容などにつきまして、予告なしに変更することがあります。
- * 本受託解析サービスは、試験研究を目的にご利用ください。その他の目的（医療品・食品の製造・品質管理や医療診断など）には使用しないでください。
- * 本受託解析サービスにより得られた結果が原因となり生じた損失・損害等について、サービスの仕様上、責任を負いかねます。
- * ご依頼いただくサンプルは、文部科学省の「遺伝子組換え生物等の使用等の規制による生物の多様性の確保に関する法律」（カルタヘナ法）における P1、P2 レベルのサンプルに限らせていただきます。
- * 血液、体液、摘出された組織、病原性菌体、感染性ウイルスパーティクル等の受け入れは弊社では行っておりません。
サンプルは DNA の状態まで調製していただきますようお願いいたします。
- * ヒト臨床サンプルの場合はインフォームドコンセントを得ていることをご確認ください。

お問い合わせ

項目	ご相談例	担当部署
請求書、お支払い に関して	・ 全製品の請求書、お支払いに関する お問い合わせ	受注管理（請求） 0120-613-190（代表）※ 011-768-5903（直通）
シーケンス解析 関連事業に関して 技術的なお問い合わせ	・ シーケンス解析サービスに関する注文方法や サンプルの送付方法等について ・ シーケンス解析、SNP 解析、微生物同定 サービスに関する技術相談 ・ 長鎖のシーケンス等の技術相談 ・ シーケンス解析データに関するお問い合わせ	シーケンスチーム 0120-613-190（代表）※ 011-768-5903（直通）

※ 代表番号より、各担当部署へお取次ぎいたします。

代理店

 北海道システム・サイエンス株式会社

〒001-0932 札幌市北区新川西2条1丁目2-1

フリーダイヤル:0120-613-190

TEL:011-768-5903 FAX:011-768-5951

E-mail: seq@hssnet.co.jp

URL: <http://www.hssnet.co.jp>

※ 本サービスの仕様は、予告なく変更する場合がございます。