

# データマイニングサービス内容

<p><b><u>基本サービス</u></b></p>	<p>○データのインポート ○Annotation取得 ○パラメータ入力 ○変動のあった遺伝子の抽出 (FoldChangeなど)          データマイニングの基本サービスで、どのような解析でも必要な前処理を含みます。          データのインポートは1回のみとなっております。          追加実験によるデータの追加が発生した場合は、新規ご依頼分となります。          ※ 最初は弊社デフォルト値での解析結果をお届けしますが、解析作業内容・項目によって、パラメータの変更は2回まで無償で対応いたします。</p>
<p><b><u>Annotation付加</u></b></p>	<p>GenBank、LocusLink、UniGene、GeneOntology から取得した公的なAnnotation情報をAgilent生データに付加します。          ※ 単独サービスとして承ることが可能です。</p>
<p><b><u>有意差検定</u></b></p>	<p>有意な遺伝子の抽出</p>
<p><b><u>クラスター解析</u></b></p>	<p>クラスタリング (デンドグラム、k-mean など)          ※ 最初は弊社デフォルト値での解析結果をお届けしますが、解析作業内容・項目によって、パラメータの変更は2回まで無償で対応いたします。</p>
<p><b><u>GeneList作成</u></b></p>	<p>遺伝子機能別 GeneList、ベン図を用いた GeneList、その他 GeneList          ※ 単独サービスとして承ることが可能です。</p>
<p><b><u>GO解析</u></b></p>	<p>発現差が観測された遺伝子を GeneOntology により機能分類</p>
<p><b><u>パスウェイ解析</u></b></p>	<p>発現差が観測された遺伝子の Pathway を探索</p>
<p><b><u>特徴抽出</u></b></p>	<p>パラメータ間で有意な遺伝子の抽出 (FoldChangeなど)          ※ 最初は弊社デフォルト値での解析結果をお届けしますが、解析作業内容・項目によって、パラメータの変更は2回まで無償で対応いたします。</p>
<p><b><u>判別分析</u></b></p>	<p>K-NN、SVM          ※ 最初は弊社デフォルト値での解析結果をお届けしますが、解析作業内容・項目によって、パラメータの変更は2回まで無償で対応いたします。</p>