

次世代シーケンス解析

面倒な解析は
HSSにお任せ!!

オプションデータ解析

SeqNova™

オプションデータ解析価格例 <データ量 4Gb の場合>

DNA-Seq	変異解析	
	・マッピング + SNP 候補検索	100,000 円 (税別) / 検体～
	・マッピング + SNP 候補検索 + 構造変異検索	200,000 円 (税別) / 検体～
	ゲノム配列決定解析	
	・アセンブル	100,000 円 (税別) / 検体～
	・真核生物遺伝子予測 (ゲノムサイズ 100Mb まで)	100,000 円 (税別) / 検体～
	・真核生物アノテーション情報付与 (ゲノムサイズ 100Mb まで)	200,000 円 (税別) / 検体～
RNA-Seq	・バクテリアゲノムアノテーション情報付与	50,000 円 (税別) / 検体～
	・バクテリアゲノム環状図作成	150,000 円 (税別) / 検体～
	・DDBJ 登録用データ作成	150,000 円 (税別) / 検体～
	発現解析	
	・マッピング + 発現頻度解析 (既知遺伝子のみ)	100,000 円 (税別) / 検体～
	・マッピング + 発現頻度解析 (新規遺伝子予測含む)	150,000 円 (税別) / 検体～
	・マッピング + 融合遺伝子探索	150,000 円 (税別) / 検体～
Small RNA-Seq	トランスクリプトーム配列決定解析	
	・アセンブル (データ量 ～ 9Gb)	100,000 円 (税別) / 解析～
	・アセンブル (データ量 10Gb ～ 19Gb)	200,000 円 (税別) / 解析～
	・マッピング + 発現頻度解析	100,000 円 (税別) / 検体～
	・アノテーション情報付与 (20 万配列まで)	200,000 円 (税別) / 解析～
ChIP-Seq	既知 miRNA 発現頻度解析	
	・リードカウント + アノテーション情報付与 (miRBase)	120,000 円 (税別) / 検体～
ChIP-Seq	新規 miRNA 候補探索解析 (既知発現頻度解析系とセットでご利用ください。)	
	・マッピング + 2 次構造予測	120,000 円 (税別) / 検体～
ChIP-Seq	修飾ヒストンや転写因子の結合部位解析	
	・マッピング + ピーク検出	100,000 円 (税別) / 検体～
	・モチーフ検索 + シーケンスロゴ作成	50,000 円 (税別) / 検体～

データ解析例の詳細はこちら!

STEP.1

HSS サービスカタログ

STEP.2

サービスカタログ・広告 | 北海道システム・サイエンス株式会社

www.hssnet.co.jp

サービスカタログ・広告 | 北海道システム・サイエンス株式会社

http://www.hssnet.co.jp/9/9.html

STEP.3

次世代シーケンス解析サービス
データ解析サービスカタログ

PDF [1.3MB] New!

代理店

北海道システム・サイエンス株式会社

〒001-0932 札幌市北区新川西2条1丁目2-1

TEL : 0120-613-190

TEL : 011-768-5903 FAX : 011-768-5951

E-mail : hss-ngs@hssnet.co.jp

URL : http://www.hssnet.co.jp

※ 本サービスの仕様は、予告なく変更する場合がございます。