

臨床リサーチシーケンス向け ターゲットシーケンス解析

Agilent ClearSeq Comprehensive Cancer

FFPE サンプル対応可能
※ 価格についてはお問い合わせください

乳がん、肺がん、大腸がんを含む幅広いがん種に関連する151の重要ながん関連遺伝子を網羅することができます。高いキャプチャの均質性により、深いカバレッジのシーケンスで信頼性の高い変異の検出が可能です。

illumina HiSeq データ取得量：約 1Gb

¥130,000 / 検体
(税別)

ターゲット領域サイズ 約0.79Mb

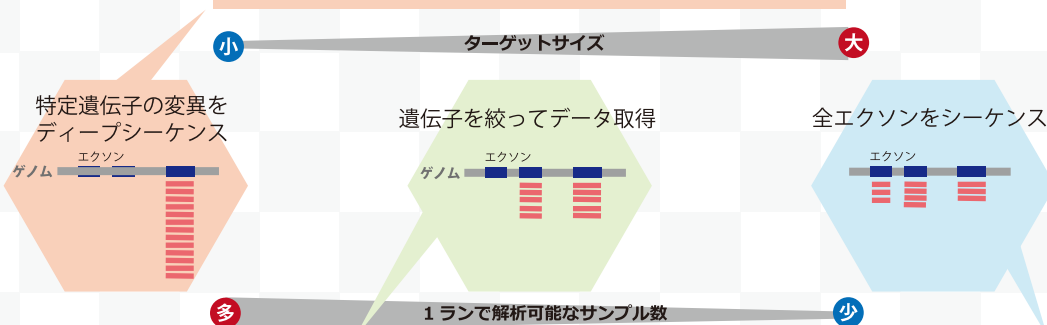
ターゲット遺伝子数 151

1Gbのデータ取得で、1200カバレッジのDEEPシーケンスが可能！！

受入サンプル：精製済みゲノム DNA 必要量：5µg/解析 濃度：40ng/µL以上

※ サンプル量および品質が上記基準に満たない場合でも、解析可能な場合がございます。ご相談ください。
※ 解析および納期スケジュールは弊社スケジュールとさせていただきます。

特定遺伝子の変異を多検体で比較したい場合に最適



特定の疾患または病態に関連すると考えられている遺伝子をターゲットとして変異検出をしたい場合に最適

illumina TruSight 疾患パネル

- TruSight One ターゲット領域サイズ 12Mb
既知の臨床的表現型に関連する4,813遺伝子をターゲット
- TruSight Cardio ターゲット領域サイズ 0.6Mb
心疾患関連174遺伝子をターゲット
- TruSight HLA 11遺伝子座

※ 価格についてはお問い合わせください

エクソン領域を網羅的に読み取り、疾患遺伝子の探索を行いたい場合に最適

Agilent SureSelect XT Clinical Research Exome キャプチャライブラリ

ターゲット領域サイズ 54Mb

All Exon 中の既知の疾患関連遺伝子領域についてキャプチャ効率を強化したキット。コーディングエクソンのデータをとって、疾患関連領域においてはより信頼性の高い変異コール結果が得られます。

- 疾患関連領域 7.5Mbのカバレッジを強化
- 疾患関連領域とSNPsの4Mbを追加

※ 価格についてはお問い合わせください

FFPE (ホルマリン固定パラフィン包埋) サンプルの取扱いについて

対応アプリケーション

- SureSelect XT All Exon V6
- SureSelect XT All Exon V6+UTR
- ClearSeq Comprehensive Cancer

必要 DNA 量

FFPE(微量) サンプル：0.5µg以上 (10ng/µL)

受入サンプル

精製済みゲノム DNA

オプション

QPCRを用いたFFPE DNAの品質チェック ※ 詳細はお問い合わせください。

注意

FFPE サンプルでは劣化(断片化や加水分解)したDNAの取扱いとなるため、形成されるライブラリの品質を保証できません。

また、DNAの品質が悪い場合、PCR duplicationが非常に多く(50%以上)なることが予測されます。 ※ 価格についてはお問い合わせください

代理店



北海道システム・サイエンス株式会社

〒001-0932 札幌市北区新川西2条1丁目2-1

☎ 0120-613-190

TEL:011-768-5903 FAX:011-768-5951

E-mail:hss-ngs@hssnet.co.jp

URL:http://www.hssnet.co.jp

※ 本サービスの仕様は、予告なく変更する場合がございます。