

超ロングリード第3世代シーケンス解析

PacBio

ロングリード次世代シーケンス解析 サービス開始しました！

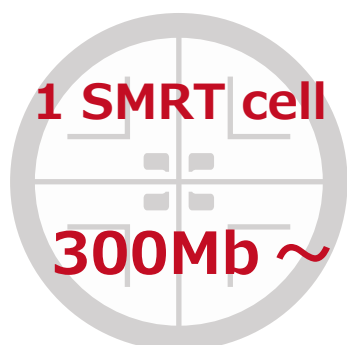
- ★ 完全長ゲノム配列決定
 - ★ 繰り返し配列のシーケンス
 - ★ 完全長 cDNA のシーケンス
- 等に最適！

PacBio RS II は、DNA 合成を 1 分子単位でリアルタイムに検出する「SMRT® DNA シーケンス技術」を用いたロングリードシーケンサです。



必要サンプル量：20 μg
 納期：～ 8 週間
 納品データ：シーケンス結果レポートファイル
 リード配列データ（FASTQ 形式）

圧倒的なロングリード！ P6C4 試薬を使用！ 40kb 以上の最大リード長、10kb 以上の平均リード長
99.999% のコンセンサス精度！ PCR 増幅時のエラー（GC バイアス）の影響を受けません




≡



★ 詳細は HP をご確認ください →  <http://www.hssnet.co.jp> ★

ご依頼方法・サービスの詳細は下記までお問い合わせください！

0120-613-190 or 011-768-5903 または hss-ngs@hssnet.co.jp

 北海道システム・サイエンス株式会社

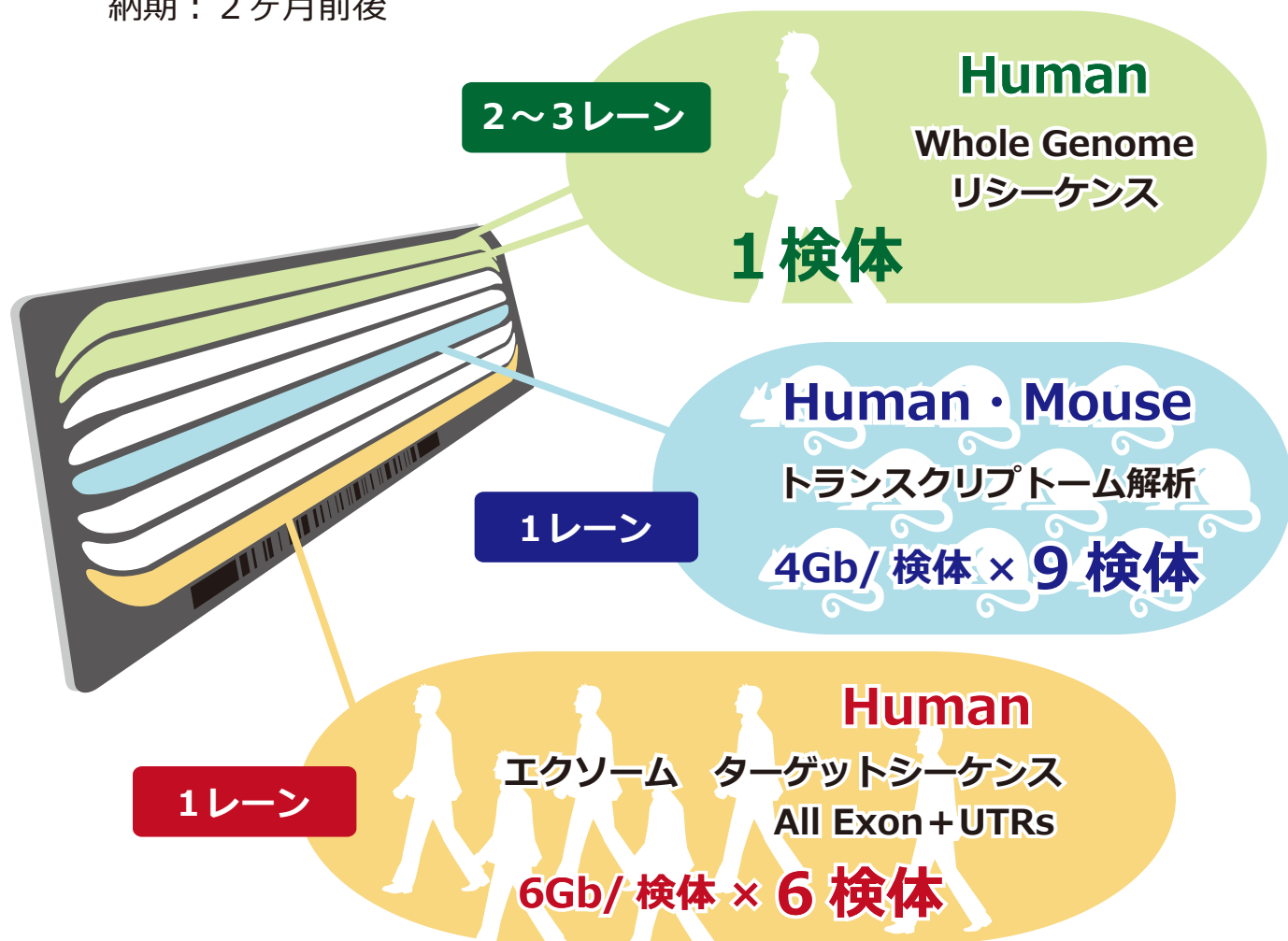
次世代シーケンス解析

生物種・アプリケーションに合わせた**レーン単位**のプランをご提供致します。

HiSeq 100bp / 125bp ペアエンド

データ量 : 1.8 億リード / 1 レーン

納期 : 2 ヶ月前後



※ 上記は一例にて参考値です。詳細は生物種・ゲノムサイズ、解析目的によりご提案致します。

生物種・アプリケーションに合わせた **Gb 単位** のプランもごございます！

ご依頼方法・サービスの詳細は下記までお問い合わせください！

代理店



北海道システム・サイエンス株式会社

〒001-0932 札幌市北区新川西2条1丁目2-1

☎ 0120-613-190

TEL:011-768-5903 FAX:011-768-5951

Email:hss-ngs@hssnet.co.jp

URL:http://www.hssnet.co.jp

※ 本サービスの仕様は、予告なく変更する場合がございます。